2019首届旋花科国际研讨交流活动第二轮通知

旋花科植物具有重要的观赏和应用价值，为了交流旋花科基因组计划取得的新进展，推进全面的国际合作，我们计划于2019年10月14日-16日举办第一届国际旋花科研讨交流活动，期待与您共聚辰山。

1主题

旋花科基因组计划——迈向全面的国际合作

2时间

2019年10月14日-16日

3地点

中国科学院上海辰山植物科研中心

4 组织机构

主办单位

上海辰山植物园/中国科学院上海辰山植物科研中心

上海市资源植物功能基因组学重点实验室

协办单位

中国植物生理与植物分子生物学学会

上海市植物生理与植物分子生物学学会

5 日程安排

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| 时间 | 内容 | 地点 |
| 2019年10月14日（周一） | 14:00-20:00 | 报到注册 | 大众国际会议中心 |
| 2019年10月15日（周二） | 8:20-9:00 | 报到注册 | 科研中心 |
| 9:00-9:30 | 开幕式 | 科研中心 |
| 9:30-10:30 | 主题报告 | 科研中心 |
| 10:30-10:50 | 茶歇 | 科研中心 |
| 10:50-12:00 | 学术报告 | 科研中心 |
| 12:10-13:10 | 午餐 | 大众国际会议中心 |
| 13:30-14:30 | 学术报告 | 科研中心 |
| 14:30-14:50 | 茶歇 | 科研中心 |
| 14:50-16:00 | 学术报告 | 科研中心 |
| 16:00-17:00 | 海报交流 | 科研中心 |
| 17:30-19:00 | 晚餐 | 大众国际会议中心 |
| 2019年10月16日（周三） | 9:00-10:30 | 主题报告 | 科研中心 |
| 10:30-10:50 | 茶歇 | 科研中心 |
| 10:50-12:00 | 学术报告 | 科研中心 |
| 12:10-13:10 | 午餐 | 大众国际会议中心 |
| 13:30-14:30 | 学术报告 | 科研中心 |
| 14:30-14:50 | 茶歇 | 科研中心 |
| 14:50-16:00 | 学术报告 | 科研中心 |
| 16:00-17:00 | 分组讨论 | 科研中心 |
| 17:00-17:10 | 总结 | 科研中心 |
| 17:30-19:00 | 晚餐 | 大众国际会议中心 |

6 邀请报告

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **题目** | **报告人** | **单位** |
| The genome of morning glory (*Ipomoea purpurea*) | Alex Harkess | Donald Danforth Plant Science CenterDanforth植物研究中心 |
| Wild ones – exploring opportunities and challenges for unleashing the potential of crop wild relatives in sweetpotato crop improvement | Bettina Heider | International Potato Center国际马铃薯中心 |
| 待更新 | Björn Usadel  | RWTH Aachen University亚琛工业大学 |
| Agrobacterium T-DNAs present in sweet potato and its Crop Wild Relatives | Dora Quispe Huamanquispe | Ghent University / International Potato Center (CIP)根特大学/国际马铃薯中心 |
| Genetic improvement of the quality traits in sweetpotato | Hongxia Wang王红霞 | Institute of Plant Physiology & Ecology, SIBS, Chinese Academy of Sciences中国科学院上海植物生理生态研究所 |
| Cloning and characterization of resistance associated genes from sweet potato | Huang Zhang张欢 | China Agricultural University中国农业大学 |
| The dynamics of soybean domestication and diversification | Jianxin Ma马渐新 | Purdue University普渡大学 |
| A simple approach to dissect the complex genetics in hexaploid sweetpotato, *Ipomoea batatas* | Kenta Shirasawa | Kazusa DNA Research InstituteKazusa DNA研究所 |
| A monographic study of Ipomoea integrated across phylogenetic scales | Pablo Muñoz Rodríguez | University of Oxford牛津大学 |
| Linkage mapping guided assembly of hexaploid sweet potato | Pasi Rastas | University of Helsinki赫尔辛基大学 |
| Research Progress of Ipomoea species: from collection, evaluation to genomics | Qinghe Cao曹清河 | Jiangsu Xuzhou Sweetpotato Research Center江苏徐州甘薯研究中心 |
| Research opportunities in the study of morning glories | Richard E. Miller | Independent Research Scientist独立科学家 |
| Metabolic engineering of low molecular weight antioxidants in sweetpotato for sustainable food and nutrition security | Sang-Soo Kwak | Korea Research Institute of Bioscience & Biotechnology韩国生物科学与生物技术研究所 |
| Strategy and application of sweetpotato genome sequencing project by TRAS collaboration | Ung-Han Yoon | National Institute of Agricultural Sciences (NAS), RDA韩国国家农业科学研究所 |
| A novel ethylene responsive factor IbERF4 from sweetpotato modulates abiotic and biotic stresses | Xiaofeng Bian边小峰 | Institute of Food Crops, Provincial Key Laboratory of Agrobiology, Jiangsu Academy of Agricultural Sciences江苏省农业科学院粮食作物研究所 |
| Cytogenetic relationships among tribe Ipomoeeae species revealed by chromosome painting and rDNA distribution patterns | Yonghua Han韩永华 | Jiangsu Normal University江苏师范大学 |
| Comprehensive genome and transcriptome analyses for nematode resistance in sweetpotato (*Ipomoea batatas* (L.) Lam.) | Yuki Monden | Okayama University冈山大学 |
| Genome sequences of the parasitic dodder Cuscuta australis is revealed | Yuxing Xu许宇星 | Kunming Institute of Botany, CAS中国科学院昆明植物研究所 |
| Toward a hexaploid sweet potato pan-genome | Zhangjun Fei费章君 | Cornell University康奈尔大学 |
| 待更新 | Zhaobang Zeng曾昭邦 | NC State University北卡罗拉那州立大学 |

 |  |
|  |  |
| 7注册与报名 |  |
| **注册报名**：请通过阅读原文链接（http://www.ibiodiversity.net/EnMeeting/Convolvulaceae2019.html），登录官网报名链接网址进行注册报名；(注意：QQ邮箱可能拦截官网系统邮件)报名截止日期2019年10月7日。人员控制在200名左右，额满为止。**论文摘要及壁报**：可提交工作论文摘要和壁报；并请在报名系统做好相关备注。英文论文摘要：包括题目、作者、单位、E-mail、关键词等信息，摘要部分文字不超过500字。论文摘要截止日期9月25日。壁报具体规格为A0：1189mm（高）\*841mm（宽），内容文字为英语或中英文对照。**注册费用：**注册费含资料费、茶歇、餐费、指定宾馆与会场往返交通费等。

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
|  | 提前注册 | 标准注册 | 现场注册 |
| 产业人员 | **￥1500至8月8日** | **￥20008月8日至10月7日** | **￥2500现场注册** |
| 科研人员 | **￥1000****至8月8日** | **￥1500****8月8日至10月7日** | **￥2000****现场注册** |
| 学生 | **￥800****至8月8日** | **￥1000****8月8日至10月7日** | **￥1500****现场注册** |

1. 银行转账

请汇款至以下账户：单位名称：上海辰山植物园开户行：浦发银行第一营业部开户账号：97990155260000204（转账时，请注明：“2019ICM”，同时请注明参会人姓名及所需的发票抬头。）我们将在会议期间统一发放发票。发票为增值税普通发票，内容为“培训费”。缴费咨询：辰山植物园财务部 沈小姐 021-37792288转833**2.支付宝支付**E:\1 国家重点实验室及牡丹组\5 国际研讨会会务\201910旋花科大会\支付宝二维码（可用信用卡）.jpg会场周边住宿（费用自理）：上海大众国际会议中心（距离会场约1.5公里）联系电话：021-57795555 双人标间/单人间价格：360元/间地址：上海市松江区佘天昆路1515号（近上海辰山植物园2号门）8咨询/联系人杨舒婷 021-37792288-960, shootingy@163.com杨俊 021-37792288-901, jyang03@sibs.ac.cn |  |